

LABOKLIN S.L., Avenida de la Industria 4, 28108 Alcobendas

Propietaria
Raquel Peiro Martínez
C/ Aiolo de Malferit 1 bajo
46026 Valencia
España

Resultado Nr.:	2504-M-08299
Fecha de entrada:	09.04.2025
Fecha de informe:	22.04.2025
Inicio de análisis:	09.04.2025
Fin de análisis:	09.04.2025
Estatu del informe:	Informe final

Especie:	Gato
Raza:	Scottish straight
Sexo:	Hembra
Nombre:	Lua
LOE/Pedigree:	LO 35528
Microchip:	941010001231784
Edad / Fecha de nacimiento:	29.09.2023
Material:	EB/Hisopo/Pelo
Propietario:	Peiro Martínez, Raquel
Código paciente:	---

Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este material es adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe solo puede transmitirse íntegramente y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboratorio Veterinario Laboklin S.L.

Antonio Barrientos Soriano
Veterinario

*** FIN del informe ***



Laboklin App

Laboklin GmbH & Co. KG, Steubenstraße 4, 97688 Bad Kissingen

Laboratorio Veterinario
LABOKLIN SL
Av. de la Industria, Ed.3, Pt.A,1A
28108 Alcobendas
Spanien

Resultado Nr.:	2504-M-08299
Fecha de entrada:	09.04.2025
Fecha de informe:	22.04.2025
Inicio de análisis:	09.04.2025
Fin de análisis:	22.04.2025
Estatu del informe:	Informe final

Especie:	Gato
Raza:	.
Sexo:	Hembra
Nombre:	Lua
LOE/Pedigree:	LO 35528
Microchip:	941010001231784
Edad / Fecha de nacimiento:	29.09.2023
Material:	EB/Hisopo/Pelo
Propietario:	Peiro Martínez, Raquel
Código paciente:	---

LABOXXL Genetics

+ Determinación genética del grupo sanguíneo - PCR

Resultado: Genotipo N/b

Interpretación: El animal examinado es heterocigoto para una de las variantes genéticas causantes, correlacionadas con el grupo sanguíneo serológico B, que se han encontrado hasta el momento.

El test detecta tres variantes genéticas (268T>A, 179G>T, 1322delT) para los alelos b y una variante para c (364C>T).

Serie alélica: N>c>b

En estas pruebas se analizan las variantes genéticas asociadas a enfermedades hereditarias o rasgos genéticos. Los resultados de estas pruebas genéticas muestran siempre los dos alelos del animal para la variante que se ha analizado. El símbolo "N" indica la presencia del alelo de tipo salvaje, mientras que los alelos variantes se designan según las enfermedades asociadas (en el ejemplo se denominan "mut").

Posibles resultados:

- N/N: La variante genética asociada a la enfermedad está ausente.
- N/mut: El animal analizado es portador de una copia de la variante analizada.
- mut/mut: El animal analizado es portador de dos copias de la variante analizada.

Es importante señalar que basarse únicamente en esta información genética no proporciona una visión definitiva de si una enfermedad puede manifestarse, cuándo o en qué medida. En algunas enfermedades, la gravedad de la afección se ve influida por factores adicionales, algunos de los cuales no son detectables mediante pruebas genéticas. Uno de los factores que suele influir es la penetrancia variable, que implica la probabilidad de que un animal con una mutación en un gen que produce una enfermedad, muestre signos y síntomas de la enfermedad. En los casos de enfermedades hereditarias recesivas, la enfermedad sólo suele manifestarse cuando un individuo posee dos copias de la variante investigada. En cambio, en las enfermedades hereditarias dominantes, la presencia de una sola copia de la variante ya influye en la probabilidad de aparición de la enfermedad. Los números de anotación **r** (autosómico recesivo), **d** (autosómico dominante) y **Xr** (cromosoma X recesivo) indican respectivamente el modo de herencia.

No todos los resultados perceptibles tienen necesariamente consecuencias sanitarias para el perro o su descendencia. En los casos en que un perro es heterocigoto (portador) de una enfermedad autosómica recesiva monogénica, los hallazgos detectados no repercuten en la salud del animal y, cuando se cría con un perro limpio, no suponen ningún riesgo para la descendencia.

En el caso de resultados no validados en la raza:

Hasta el momento, no se ha demostrado científicamente ninguna correlación entre la variante analizada y los síntomas clínicos asociados en la raza de este animal

Para obtener información más detallada sobre enfermedades hereditarias concretas, consulte nuestra web.

VARIANTES ESPECÍFICAS DE RAZA

Resultados no preocupantes	Genotipo	Gen	Variante
Atrofia progresiva de retina (pd-PRA) ^r	N/N	AIPL1	C-T
Cistinuria ^r	N/N	SLC7A9	T-A
Defecto MDR1 (MDR) ^r	N/N	ABCB1	DEL
Deficiencia de FXII (1321delC) ^{r,5}	N/N	F12	DEL
Deficiencia de FXII (1631G>C) ^{r,5}	N/N	F12	DEL
Enfermedad renal poliquística (PKD) ^d	N/N	PKD1	C-A
Hipotiroidismo congénito (CH) ^r	N/N	TPO	C-T
Miotonía congénita ^r	N/N	CLCN1	G-T
Mucopolisacaridosis tipo VII (MPS VII) ^r	N/N	GUSB	G-A
Polidactilia - variante ^d	N/N	LMBR1	T-A
Polidactilia - variante Hw ^d	N/N	LMBR1	T-C
Polidactilia - variante UK1 ^d	N/N	LMBR1	C-G
Síndrome Linfoproliferativo Autoinmune (ALPS) ^r	N/N	FASLG	INS

VARIANTES NO ESPECÍFICAS DE RAZA (NO SE DETECTÓ CORRELACIÓN EN TU RAZA)

Resultados no preocupantes	Genotipo	Gen	Variante
Acrodermatitis enteropática (AE) ^r	N/N	SLC39A4	C-G
Alfa-manosidosis (AMD) ^r	N/N	MAN2B1	DEL
Atrofia muscular espinal (SMA) ^r	N/N	LIX1	COMPLEX
Atrofia progresiva de retina (PRA-b) ^r	N/N	KIF3B	C-T

VARIANTES NO ESPECÍFICAS DE RAZA (NO SE DETECTÓ CORRELACIÓN EN TU RAZA)

Resultados no preocupantes	Genotipo	Gen	Variante
Atrofia progresiva de retina: ^r	N/N	CEP290	A-C
Cardiomiopatía hipertrófica (HCM1) Maine Coon ^d	N/N	MYBPC3	C-G
Cardiomiopatía hipertrófica (HCM3) Ragdoll ^d	N/N	MYBPC3	G-A
Cardiomiopatía hipertrófica (HCM4) ^d	N/N	ALMS1	G-C
Deficiencia en piruvato quinasa ^r	N/N	PKLR	G-A
Deficiencia Factor XI ^{r,5}	N/N	F11	G-A
Enfermedad de almacenamiento de glucógeno (GSDIV) ^r	N/N	GBE1	COMPLEX
Gangliósido (GM1) ^r	N/N	GLB1	C-G
Gangliósido (GM2) ^r	N/N	HEXB	DEL
Gangliósido (GM2) ^r	N/N	HEXB	DEL
Glaucoma primario congénito ^r	N/N	LTBP2	INS
Head Defect	N/N	ALX1	DEL
Hipocalemia ^r	N/N	WNK4	C-T
Hipotricosis/corta esperanza de vida ^r	N/N	FOXN1	DEL
Mucopolisacaridosis tipo VI (MPS VI) ^r	N/N	ARSB	A-G, C-T
Osteocondrodisplasia ^d	N/N	TRPV4	C-A
Síndrome miasténico congénito (CMS) ^r	N/N	COLQ	C-T

COLORES Y CARACTERÍSTICAS DEL PELAJE

Prueba genética	Genotipo	Serie alélica
Aclarado del color ^r	D/D	D>d
Color ámbar ^r	E/E	E>e
Color capa colourpoint ^r	C/cs	C>cb>cs
Color capa marrón ^r	B/B	B>b>bl
Color charcoal ^r	A/A	A>a
Color de capa Copal ^r	E/E	E>ec
Color de capa russet (rojizo) ^r	E/E	E>er
Color de capa variedad dorada (Sunshine) - (PCR) ^r	N/N	N>wbeSIB>wbSib
Color de capa variedad dorada (Sunshine) ^r	N/N	N>wbSib
Longitud del pelo ^r	N/N	
Sin pelo/pelo rizado (SPH/DRX) ^r	N/N	N>hr>re
Tabby (S59X)	TaM/TaM	TaM>Tab
Tabby (W841X)	TaM/Tab	TaM>Tab
TiA (C63Y) ^d	N/N	TiA=TiCK>N
TiCK (A18V) ^d	N/N	TiA=TiCK>N
Variante color capa "Snow" (bengala) ^r	C/cs	C>cb>cs
Variante de color Agouti ^r	A/A	A>a
Variante de color de capa dorada (cobre) ^r	N/N	N>wbBSH
Variante de pelo rizado ^d	N/N	Cu>N

Los resultados actuales sólo son válidos para la muestra enviada a nuestro laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

Explicaciones sobre la genética del color del pelaje

Aquí encontrará ayuda para interpretar las variantes genéticas:

https://shop.labogen.com/coat_colour_genetics_cat



Números de petición

Aquí encontrará información detallada sobre los números de petición:

<https://shop.labogen.com/numeri-di-annotazione>



Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este era adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe sólo puede transmitirse en toto y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboklin GmbH & Co.

+ la medición no está acreditada

***** FIN del informe *****